本文引用:刘永强,韩培立,刘辉.神经调节蛋白-1原核表达及其对阿霉素致大鼠心肌细胞毒性的保护作用[J]. 新乡医学院学报,2020,37(2):101-106. DOI:10.7683/xxyxyxb.2020.02.001.

【基础研究】

神经调节蛋白-1 原核表达及其对阿霉素致大鼠心肌细胞毒性的保护作用

刘永强1、韩培立1、刘 辉2

(1. 新乡医学院第一附属医院心外科,河南省神经修复重点实验室,河南 卫辉 453100;2. 新乡医学院第一附属医院 心内科,河南 卫辉 453100)

摘要: 目的 探讨神经调节蛋白-1 (NRG-1) 对减轻阿霉素 (DOX) 所致大鼠心肌细胞毒性的作用及其机制。方法 提取 Sprague Dawley (SD) 胎鼠的心室肌细胞总 RNA 并原核表达 NRG-1 蛋白;分离并培养 SD 乳鼠原代心肌细胞,应用细胞计数试剂盒 (CCK-8) 测定不同浓度 DOX 作用下大鼠原代心肌细胞的活性;并将心肌细胞分为正常对照组、DOX(5.0 μ mol·L⁻¹)组、DOX(5.0 μ mol·L⁻¹)+NRG-1(11.0 nmol·L⁻¹)组和 NRG-1(11.0 nmol·L⁻¹)组,培养 7 d 后分别采用 Western blot 法和荧光定量聚合酶链反应检测大鼠原代心肌细胞的 Na⁺-Ca²⁺交换体 (NCX-1) 和心肌球蛋白轻链激酶 (cMLCK) 蛋白和 mRNA 表达。结果 原核表达 NRG-1 蛋白成功; DOX 的心肌细胞毒性随其浓度增高而加重; NRG-1 对不同浓度 DOX 干预的大鼠心肌细胞活力均有恢复作用(P<0.05),DOX 浓度继续增高时其恢复作用受限 (P<0.05),同时 NRG-1 浓度越高其细胞活力恢复越好 (F = 3 606.28、2 010.60、215.41,P<0.05),5.0 μ mol·L⁻¹ DOX 能抑制 cMLCK 蛋白和 mRNA 的表达 (P<0.05),也能提高 NCX-1 蛋白和 mRNA 的表达 (P<0.05),而11.0 nmol·L⁻¹ NRG-1 能够逆转 DOX 的上述作用 (P<0.05)。结论 NRG-1 能够改善 DOX 所致大鼠心肌细胞毒性,其机制可能与 cMLCK 表达上调及 NCX-1 表达下调有关。

关键词: 神经调节蛋白-1;阿霉素;心肌球蛋白轻链激酶;Na+-Ca2+交换体

中图分类号: R965; Q816 文献标志码: A 文章编号: 1004-7239(2020)02-0101-06

Prokaryotic expression of neuregulin-1 and its protective effect on doxorubicin-induced cardiomyocytes toxicity in rats

LIU Yonggiang¹, HAN Peili¹, LIU Hui²

(1. Department of Cardiovascular Surgery, the First Affiliated Hospital of Xinxiang Medical University, Henan Key Laboratory of Neural Rehabilitation, Weihui 453100, Henan Province, China; 2. Department of Cardiology, the First Affiliated Hospital of Xinxiang Medical University, Weihui 453100, Henan Province, China)

Abstract: Objective To investigate the effect of neuregulin-1 (NRG-1) on reducing cardiomyocyte toxicity of rats induced by doxorubicin (DOX) and its mechanism. **Methods** Total RNA was extracted from ventricular myocytes of Sprague Dawley (SD) fetal rats and NRG-1 was expressed in prokaryotic cells. Primary cardiomyocytes of SD rats were isolated and cultured. The cell counting kit-8(CCK-8) assay was used for determining the activity of rat cardiomyocytes at different DOX concentrations. Cardiomyocytes were divided into normal control group, DOX (5.0 μmol · L⁻¹) group, DOX (5.0 μmol · L⁻¹) + NRG-1(11.0 nmol · L⁻¹) group, and NRG-1(11.0 nmol · L⁻¹) group. All the cells in each group were cultured for seven days. The protein expression of Na⁺-Ca²⁺ exchanger (NCX-1) and cardiac myosin light chain kinase (cMLCK) was detected by Western blot, and the mRNA expression level was measured by fluorescence quantitative polymerase chain reaction. **Results** NRG-1 was obtained by prokaryotic expression. DOX-induced cardiomyocytes toxicity became more significant with the increasing dose of DOX. The NRG-1 could restore the viability of cardiomyocytes under different does of DOX(P < 0.05), However, the protective effect of NRG-1 was limited when the DOX concentration continued to increase (P < 0.05); meanwhile, the cell viability recovery became more significant with higher degree of NRG-1 concentrations(P = 3.606.28.2.010.60.215.41; P < 0.05). The 5.0 μmol · L⁻¹ DOX could inhibit the expression of cMLCK protein and mRNA(P < 0.05), and increase the expression of NCX-1 protein and mRNA (P < 0.05), while the 11.0 nmol · L⁻¹ NRG-1 could reverse the above effects of DOX (P < 0.05). **Conclusion** NRG-1 can

DOI:10.7683/xxyxyxb.2020.02.001

收稿日期:2019-03-27

基金项目:河南省医学科技攻关计划项目(编号:201602155)。

作者简介:刘永强(1982-),男,河南卫辉人,硕士,主治医师,研究方向:心肌损伤防治的基础与临床。

improve DOX-induced cardiomyocyte toxicity in rats, and its mechanism may be related to the up-regulation of the cMLCK expression and the down-regulation of the NCX-1 expression.

Key words: neuregulin-1;doxorubicin; cardiacmyosin light chain kinase; Na + -Ca²⁺ exchanger

阿霉素(doxorubicin, DOX)是一种有效的抗肿 瘤药物[1],能够成功诱导多种肿瘤达到临床缓解, 然而,其严重的心脏毒性是限制其大剂量和(或)长 期临床应用的重要因素之一。DOX 的心脏毒性主 要表现为用药早期诱发的各种心律失常,以及晚期 出现剂量依赖性和充血性心力衰竭,而且,一旦出现 充血性心力衰竭,其病死率高达50%[2]。因此,研 究和寻找既能减轻 DOX 的心脏毒性,又能保持其抗 肿瘤活性的药物具有十分重要的意义。迄今为止, DOX 引起心脏毒性的机制尚未完全阐明,一般认为 与活性氧自由基、细胞凋亡及细胞能量代谢障碍有 关.BHATT等[3]认为,氧自由基和氧化应激在 DOX 所致心脏毒性中起主要作用。XU 等[4] 研究发现, 神经调节蛋白-1 (neuregulin-1, NRG-1)可以减轻新 生大鼠心肌细胞的氧化应激和内质网(endoplasmic reticulum, ER) 应激,是一种潜在的心肌保护剂。本 研究通过克隆大鼠 NRG-1 基因并原核表达该蛋白, 观察其对不同浓度 DOX 所致原代心肌细胞毒性的 保护作用,并探讨其可能机制。

1 材料与方法

1.1 实验动物、试剂与仪器 新生 72 h 内 Sprague-Dawley(SD)大鼠10只及妊娠大鼠2只由新乡医学 院实验动物中心提供,动物合格证号:SYXK(豫) 2009-0002;pET28a(+)载体和 E. coli BL21(DE3) 菌株均由新乡医学院实验室保存; Ni-氮基三乙酸 (Ni-nitrilotriacetic acid, Ni-NTA) 试剂盒购自安诺伦 (北京)生物科技有限公司,DOX 购自浙江海门制药 厂(批号:971174),胎牛血清和达尔伯克改良伊格尔 培养基(Dulbecco's modified Eagle's medium, DMEM) 购自美国 Gibco 公司, Na+-Ca2+ 交换体(Na+-Ca2+ exchanger, NCX-1) 抗体、甘油醛-3-磷酸脱氢酶 (glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase, GAPDH) 抗 体、心肌球蛋白轻链激酶(cardiac myosin lightchain kinase,cMLCK)抗体以及对应的二抗购自美国 Santa Cruz 公司,二喹啉甲酸(bicinchoninic acid,BCA)蛋白 定量试剂盒购自美国 Thermo Scientific 公司, DNA 胶 回收试剂盒购自美国 Promega 公司, Taq 酶、荧光定 量聚合酶链反应(polymerase chain reaction, PCR)试 剂盒购自日本 TaKaRa 公司,引物由南京金思瑞生 物科技有限公司合成;大容量低温离心机及核酸蛋 白检测仪购自美国 Beckman 公司, 荧光定量 PCR 仪购自美国 ABI 公司, 电泳仪、垂直板蛋白电泳装置、凝胶图像分析仪购自美国 Biorad Gel Doc 公司。

1.2 NRG-1 蛋白表达与纯化

- 1.2.1 NRG-1 基因获得及原核表达载体构建 取 SD 妊娠大鼠 2 只,麻醉后以体积分数 75% 乙醇浸 泡消毒,开腹取出胎鼠,将胎鼠开胸摘取心尖部心室 组织,以预冷 D-Hank's 液洗涤心室组织 3 遍并将其 剪碎。TRIzol 法提取胎鼠心室肌细胞总 RNA,反转 录后应用 NRG-1 引物扩增,所有操作严格按照试剂 盒说明书进行,以 GAPDH 作为内参照。NRG-1 上 游引物序列为 5'-GCGGAATTCATGTCTGAGCG-CAAAG-3′,下游引物序列为5′-CGCGTCGACTTAT-ACAGCAATAGG-3';GAPDH 上游引物序列为 5'-CT-GGAAGATGGTGATGGGATT-3′,下游引物序列为5′-ATGGGGAAGGTGAAGGTCG-3'。将 PCR 产物及 pET28a(+)载体进行 EcoR I 和 Sal I 双酶剪切 4 h, 对目的片段和 pET28a(+) 载体片段进行琼脂糖凝 胶电泳及回收。回收后的目的片段连接并转化到 E. coli BL21(DE3)表达菌株中,挑取克隆鉴定后备用。
- 1.2.2 NRG-1 蛋白表达与纯化 选取鉴定正确的 克隆菌株,使用 1 mmol· L⁻¹异丙基-β-D-硫代半乳糖苷 (isopropyl-β-D-thiogalactoside, IPTG)进行小量诱导,并应用十二烷基苯磺酸钠-聚丙烯酰胺凝胶电泳 (sodium dodecyl sulfate polyacrylamide gel electrophoresis, SDS-PAGE)分析,比较 0、1、2、3、4 h 时蛋白条带的变化,鉴别目的蛋白条带并观察其表达。NRG-1 蛋白条带大小为 73 700。IPTG 诱导1 L目的菌,超声破菌后 3 000 r·min⁻¹离心10 min,取上清液和沉淀,分别进行 SDS-PAGE 电泳,发现蛋白大部分在沉淀中,说明是包涵体表达。严格参照 Ni-NTA 试剂盒说明书,应用多聚组氨酸标签(His-Tag)纯化目的蛋白,通过紫外分光光度仪测定目的蛋白 NRG-1 的浓度和纯度,纯化产物行蛋白定量后,鉴定蛋白活性。
- 1.3 大鼠心肌原代细胞分离与培养 取新生72 h内 SD 大鼠 10 只,处死后以体积分数 75% 乙醇浸泡消毒并获取心室组织,应用预冷 DMEM 培养基冲洗后将心室组织置于小塑料皿中剪碎。加入 6 mL 胰蛋白酶,使用吸管将含心尖碎块的胰蛋白酶移入 25 cm²培养瓶中,37 ℃水浴轻摇,100 r·min⁻¹消化 15 min;吸弃上清液后再加入 4 mL 消化液(消化液含

3.2 mL 磷酸缓冲盐溶液、0.4 mL 胶原酶、0.4 mL 胰蛋白酶),37 ℃ 轻摇,100 r· min ¹消化 10 min;将上清液转移至新的离心管中并加入牛血清 5 mL,混合后室温放置;重复以上实验步骤直至组织块完全消化,收集上清液于同一离心管内,1 000 r· min ¹高心10 min,弃上清液;DMEM 完全培养液重悬沉淀;将细胞悬液转移到未包被的培养皿中,37 ℃ 静置45 min;轻轻摇匀细胞悬液,转移到新的培养皿中,重复上步操作步骤 2 次;收集细胞悬液,计数,按所需接种密度将细胞转移到培养皿中培养,细胞贴附后进行后续实验。

1.4 DOX 浓度的确定 取对数生长期细胞,将细胞密度调整为 1×10^6 L⁻¹,接种于 12 孔细胞培养板;调整 DOX 终 浓度为 0.0、1.0、2.5、5.0、10.0、20.0 μ mol·L⁻¹。每孔加入相应浓度的 DOX,置于 37 ℃、含体积分数 5% CO₂ 的培养箱中培养,每隔 24 h换液 1 次,连续培养 72 h,观察细胞生长情况,选取心肌细胞毒性相对显著的 DOX 浓度进行后续实验。

1.5 细胞计数试剂盒(cell counting kit-8, CCK-8) 测定细胞活力 取对数生长期细胞,按每孔 1 × 10⁴ 个细胞接种于96孔培养板,将细胞分为5.0、10.0、 20.0 μmol·L⁻¹DOX 组, NRG-1 浓度分别为 0.00、 0.14、0.41、1.22、3.67、11.00、33.00 和 99.00 nmol·L⁻¹。 每组心肌细胞给予该组固定浓度的 DOX 处理的同 时,同组的8孔细胞每孔加入固定浓度的NRG-1,置 于 37 ℃、含体积分数 5% CO, 的培养箱中培养24 h, 换液,干预7d后测定细胞活力。用无血清 DMEM 配制体积分数 10% 的 CCK-8 溶液 15 mL,去除培养 孔中的培养基,每孔加入 CCK-8 溶液 100 μL,37 ℃ 孵育 2~4 h,测定 450 nm 波长处的吸光度值,细胞 活力(%)=(加药细胞吸光度值-空白孔吸光度 值)/(对照细胞吸光度值 - 空白孔吸光度值) × 100%。根据实验结果,选取心肌细胞活力升高相对 显著的 DOX 和 NRG-1 浓度进行后续实验。

1.6 Western blot 法检测心肌细胞中 cMLCK 和NCX-1蛋白表达 取对数生长期细胞,将细胞分为正常对照组、DOX($5.0~\mu\text{mol} \cdot \text{L}^{-1}$)组、DOX($5.0~\mu\text{mol} \cdot \text{L}^{-1}$)组、DOX($5.0~\mu\text{mol} \cdot \text{L}^{-1}$),NRG-1组($11.0~\text{nmol} \cdot \text{L}^{-1}$)。正常对照组不加用任何药物,其他组根据分组加入相应药物处理,置于37 $^{\circ}$ 、含体积分数 5% CO_2 的培养箱培养,每隔 24 h换液 1次,7 d 后收取细胞。提取细胞全蛋白,以BCA试剂盒测定总蛋白浓度,具体操作步骤参照说明书进行。蛋白置于水锅中煮沸 5~min,根据测定结果,每组分别取含 $5~\mu\text{g}$ 蛋白的样品液进行 SDS-PAGE电泳,然后将蛋白转移至聚偏氟乙烯膜,脱脂奶粉室

温封闭 2 h,依据目的蛋白相对分子质量截取蛋白条带置于小盒中,加入相应一抗(cMLCK、NXC-1及GAPDH,1:1000比例稀释),4 ℃孵育过夜,加入二抗(1:5000),室温孵育 $1 \sim 2$ h,采用增强化学发光显色,以 Tanon 软件拍摄图像并分析心肌细胞中cMLCK、NXC-1蛋白的表达。

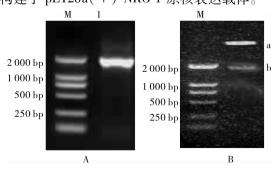
1.7 荧光定量 PCR 检测心肌细胞中 cMLCK、NCX-1 mRNA 表达 取"1.6 项"中各组样本,用磷酸盐缓冲溶液清洗 3 次,分别加入 1 mL TRIzol 试剂,于冰上反应 10 min,提取样本总 RNA。以 GAPDH 为内参进行荧光定量 PCR。NCX-1 上游引物序列为5′-GGAAGATGATGACGACGAT-3′,下游引物序列为5′-CAGCCATTCCAGTATTCAGT-3′; cMLCK 上游引物序列为5′-CACTGAGGCAGGGAGTTGA-3′,下游引物序列为5′-CACTGAGGCAGGGAGTTGA-3′; GAPDH上游引物序列为5′-CTGGAAGATGGTGATGGGATT-3′,下游引物序列为5′-CTGGAAGATGGTGATGGGATT-3′,下游引物序列为5′-ATGGGGAAGGTGAAGGTCG-3′。采用 2-ΔΔCI 法计算 cMLCK、NCX-1 mRNA 的表达水平。

1.8 统计学处理 应用 SPSS 20.0 软件进行数据统计与分析,计量资料以均数 \pm 标准差($\bar{x} \pm s$)表示,多组间比较采用单因素方差分析,组间多重比较采用 Tukey 法,组间变化趋势采用方差分析线性趋势检验,P < 0.05 为差异有统计学意义。

2 结果

2.1 NRG-1 表达载体的琼脂糖凝胶电泳结果

NRG-1 PCR 基因扩增产物琼脂糖凝胶电泳结果显示,产物大小在2000 bp 附近,符合1929 bp 的预期(图1A);pET28a(+)-NRG-1 酶切4h后琼脂糖凝胶电泳结果显示,得到了2000 bp 和5000 bp 左右的2个片段,前者为NRG-1片段(1929 bp),后者为载体pET28a(+)片段(5369 bp)(图1B)。表明成功构建了pET28a(+)-NRG-1原核表达载体。



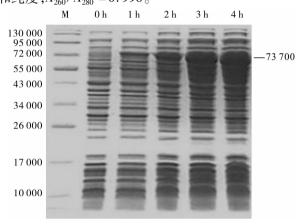
A: NRG-1 PCR 基因扩增结果; M: DL2000; 1: NRG-1。B: pET28a (+)-NRG-1 双酶切结果; M: DL2000; a: pET28a(+); b: NRG-1。

图 1 心肌组织中 NRG-1 基因及 ET28a(+)-NRG-1 酶切产物琼脂糖凝胶电泳结果

Fig. 1 Agarose gel electrophoresis results of myocardium NRG-1 gene and enzyme products of pET28a(+)-NRG-1

2.2 NRG-1 蛋白的 SDS-PAGE 电泳和纯化结果

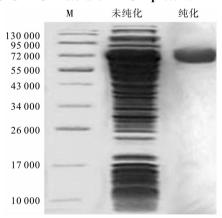
与 0 h 比较,IPTG 诱导 1、2、3、4 h 时在相对分子质量72 000左右的位置出现了 1 个条带,且随着时间的延长,条带越粗,其他条带无明显变化,表明细菌高表达目的蛋白(图 2)。诱导后经过 Ni-NTA 纯化的 SDS-PAGE 电泳结果显示,在相对分子质量72 000处出现单一条带,且与未纯化时随时间延长而增粗的条带相对应,提示成功纯化目的蛋白(图 3)。NRG-1 纯化后通过紫外分光光度仪测定蛋白浓度和纯度, A_{260}/A_{280} = 0.998。



M: Marker

图 2 NRG-1 蛋白的 SDS-PAGE 结果

Fig. 2 SDS-PAGE results of NRG-1 proteins



M:Marker;未纯化:IPTG 诱导 3 h 的 NRG-1 蛋白未纯化结果;纯化:IPTG 诱导 3 h 的 NRG-1 蛋白纯化结果。

图 3 NRG-1 未纯化蛋白和纯化蛋白的 SDS-PAGE 结果 Fig. 3 SDS-PAGE results of NRG-1 unpurified proteins and purified proteins

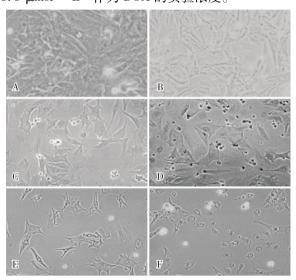
表 1 3 组大鼠心肌细胞活力比较

Tab. 1 Comparison of rat myocardial cell activity among the three groups

 $(\bar{x} \pm s)$

NRG-1/(nmol · L - 1) 组别 3.67 0.000.140.411.22 11.0 33.0 99.0 5.0 µmol·L⁻¹DOX组 93.20 ± 1.15a 3 606.28 0.00 55.10 ± 1.28^{a} 73.00 ± 2.30^{a} 83.80 ± 2.59^{a} 86.40 ± 1.31^{a} $102.16 \pm 2.08^{\mathrm{a}}$ 112.10 ± 1.85 a $111.80 \pm 1.92^{\mathrm{a}}$ 10.0 μmol·L-1DOX 组 5 46.40 ± 1.64 52.20 ± 1.74 56.10 ± 1.96 61.60 ± 1.65 68.00 ± 1.06 71.50 ± 1.38 79.30 ± 1.09 75.00 ± 1.10 2 010.60 0.00 20.0 μmol·L-1DOX组 41.10 ± 0.94 48.10 ± 0.98 49.60 ± 1.46 50.00 ± 1.16 49.00 ± 1.05 44.20 ± 0.96 51.50 ± 1.52 51.30 ± 1.27 215.41 0.00

2.3 不同浓度 DOX 干预下大鼠心肌细胞的分离培养 DOX 浓度为0.0 μmol·L⁻¹时,大鼠心肌细胞呈贴壁生长,细胞凸起明显,伴有伪足(图 4A);随着DOX 浓度的增加,细胞形态逐渐萎缩,伪足减少(图 4B、4C);当 DOX 浓度增加至5.0 μmol·L⁻¹时,心肌细胞开始出现死亡(图 4D); DOX 浓度增加至 10.0、20.0 μmol·L⁻¹时,死亡心肌细胞明显增加,细胞密度明显降低(图 4E、4F)。故后续实验选择5.0、10.0、20.0 μmol·L⁻¹作为 DOX 的实验浓度。



A:0.0 μ mol· L⁻¹DOX; B:1.0 μ mol· L⁻¹DOX;C:2.5 μ mol· L⁻¹DOX; D:5.0 μ mol· L⁻¹DOX; E:10.0 μ mol· L⁻¹DOX; F:20.0 μ mol· L⁻¹DOX;

图 4 不同浓度 DOX 干预下大鼠心肌细胞原代培养 $(\times 100)$

Fig. 4 Primary culture of rat myocardial cell under the intervention with different DOX concentrations

2.4 不同干预条件下大鼠心肌细胞活力比较 结果见表 1。随着 NRG-1 浓度增高,5.0、10.0、20.0 μ mol·L⁻¹ DOX 组心肌细胞活力均有逐渐升高趋势(F=3606.28、2010.60、215.41,P<0.05),其中5.0 μ mol·L⁻¹ DOX 组升高最明显(P<0.05);当 NRG-1 浓度增加至33.0 μ mol·L⁻¹后,5.0、10.0、20.0 μ mol·L⁻¹ DOX 组心肌细胞活力反而下降。故后续实验选择5.0 μ mol·L⁻¹作为DOX 的实验浓度,11.0 μ mol·L⁻¹作为NRG-1 的实验浓度。

2.5 各组大鼠心肌细胞中 cMLCK 和 NCX-1 蛋白表达水平比较 结果见图 5 和表 2。4 组心肌细胞中 NCX-1 和 cMLCK 蛋白表达比较差异均有统计学意义(F=9.316、31.955,P<0.05)。与正常对照组比较,DOX 组心肌细胞中 NCX-1 蛋白表达显著升高,cMLCK 蛋白表达显著降低,差异有统计学意义(P<0.05);与 DOX 组比较,DOX + NRG-1 组细胞中 NCX-1 蛋白表达显著降低,cMLCK 蛋白表达显著升高,差异有统计学意义(P<0.05);DOX + NRG-1 组心肌细胞中 cMLCK 蛋白表达高于 NRG-1 组,差异有统计学意义(P<0.05),2 组心肌细胞中 NCX-1 蛋白表达比较差异无统计学意义(P>0.05)。

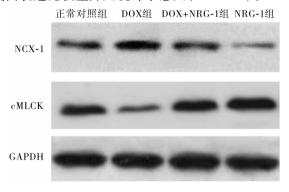


图 5 4 组大鼠心肌细胞中 cMLCK 和 NCX-1 蛋白表达 (Western blot)

Fig. 5 Expression of cMLCK and NCX-1 protein in the myocardial cell of rats in the four groups (Western blot) 表 2 4 组大鼠心肌细胞中 cMLCK 和 NCX-1 蛋白表达比较 Tab. 2 Comparison of the expression of cMLCK and NCX-1 protein in the myocardial cell of rats among the four groups $(\bar{x} \pm s)$

组别	n	NCX-1 蛋白	cMLCK 蛋白
正常对照组	5	0.942 ± 0.598	1.166 ± 0.478
DOX 组	5	2.672 ± 0.871^{a}	0.414 ± 0.214^{a}
DOX + NRG-1 组	5	$1.172 \pm 0.470^{\rm b}$	1.778 ± 0.349 ^b
NRG-1 组	5	0.908 ± 0.421	$2.570 \pm 0.356^{\circ}$
\overline{F}		9.316	31.955
P		0.001	0.000

注:与正常对照组比较 ^{a}P < 0.05;与 DOX 组比较 ^{b}P < 0.05;与 DOX + NRG-1 组比较 ^{c}P < 0.05。

2.6 各组大鼠心肌细胞中 cMLCK、NCX-1 mRNA 表达水平比较 结果见表 3。4组心肌细胞中 NCX-1、cMLCK mRNA的表达比较差异均有统计学意义(F=160.958.98.877,P<0.05)。与正常对照组比较,DOX组心肌细胞中 NCX-1 mRNA 表达显著升高,cMLCK mRNA 表达显著降低,差异有统计学意义(P<0.05);与 DOX组比较,DOX+NRG-1组心肌细胞中 NCX-1 mRNA表达显著降低,cMLCK

mRNA 表达显著升高,差异有统计学意义(P < 0.05);DOX + NRG-1 组心肌细胞中 cMLCK mRNA 表达高于 NRG-1 组(P < 0.05),但 2 组心肌细胞中 NCX-1 mRNA 表达比较差异无统计学意义(P > 0.05)。表 3 4 组大鼠心肌细胞中 cMLCK、NCX-1 mRNA 表达比较 Tab.3 Comparison of the expression of NCX-1 and cML-CK mRNA in the myocardial cell of rats among the four groups $(\bar{x} \pm s)$

		(x ± 3)
n	NCX-1 mRNA	cMLCK mRNA
5	0.946 ± 0.505	1.110 ± 0.164
5	5.762 ± 0.517^{a}	0.378 ± 0.205^{a}
5	1.800 ± 0.209 b	$2.414 \pm 0.376^{\rm b}$
5	1.080 ± 0.274	$3.252 \pm 0.353^{\circ}$
	160.958	98.877
	0.000	0.000
	5 5 5	5 0.946 ± 0.505 5 5.762 ± 0.517 ^a 5 1.800 ± 0.209 ^b 5 1.080 ± 0.274 160.958

注:与正常对照组比较 $^{\circ}P<0.05$;与 DOX 组比较 $^{\circ}P<0.05$;与 DOX + NRG-1 组比较 $^{\circ}P<0.05$ 。

3 讨论

NRG-1 是神经调节素家族成员之一,具有广泛的心血管保护作用^[5]。同时,NRG-1 在心脏发育过程中也发挥重要作用,NRG-1 基因缺失的胎鼠心脏会出现发育缺陷^[6],由此推测 NRG-1 可能对 DOX 引起的心脏毒性有一定抑制或逆转作用。本研究采用 TRIzol 法提取 SD 胎鼠的心室肌细胞总 RNA,将 SD 胎鼠的 NRG-1 基因克隆测序,利用原核表达系统提高 NRG-1 基因表达,目的基因片段被转化到 coli. BL21(DE3)表达菌株中,经 IPTG 诱导、Ni-NTA 纯化,最终成功获得了 SD 大鼠的 NRG-1 蛋白,为该蛋白的生物学活性研究提供了基础。

ASENSIO-LÓPEZ 等[7] 研究认为, DOX 作为化 学治疗药物,其心脏毒性作用主要归因于活性氧的 产生。有关 DOX 诱导的心脏毒性,已知的机制主要 涉及氧化应激、线粒体功能障碍和自噬失调等[8]。 目前,DOX 所致心脏毒性已被学界重视,但其作用 机制仍需进一步研究。本研究中,在 DOX 的干预 下,大鼠原代心肌细胞生长活性随 DOX 浓度的增高 而降低,细胞生长受到不同程度的抑制,尤其当 DOX 浓度为 5.0、10.0、20.0 μmol· L⁻¹时,心肌细 胞可发生不可逆性变化,从而导致心肌细胞损伤和 死亡。如果能抑制 DOX 引起的心肌细胞氧化应激 等因素,心肌细胞损伤或凋亡就有可能被逆转,心肌 细胞就能得到有效保护。GAO 等[9] 研究表明, NRG-1 能够改善心力衰竭患者心肌结构,增加射血 分数。也有研究表明, NRG-1 的功能是多样性 的[10];体外研究表明, NRG-1 有调节心肌细胞氧化 的能力 $^{[11]}$ 。如果 NRG-1 能够对 DOX 毒性心肌细胞起保护作用,那么,当 DOX 干预的心肌细胞在一定浓度 NRG-1 作用下,心肌细胞活性会得到不同程度的恢复。本研究结果显示,NRG-1 对由5.0 μ mol·L $^{-1}$ DOX 引起的心肌细胞活力下降具有明显的恢复作用,对由 $10.0~\mu$ mol·L $^{-1}$ DOX 引起的心肌细胞活力下降具有明显的恢复作用,对由 $10.0~\mu$ mol·L $^{-1}$ DOX 引起的心肌细胞活力下降具有一定的恢复作用;当 DOX 浓度过高时,NRG-1 对心肌细胞的保护有限甚至无保护作用,可能是由于心肌细胞发生了不可逆性损伤或死亡。

肌球蛋白轻链激酶是平滑肌细胞收缩的关键调 节蛋白, MLCK 结构组成包括 N 末端肌动蛋白结合 区、中心激酶区、钙调蛋白(calmodulin, CaM)结合区 及 C 端的肌球蛋白结合区。MASSENGILL 等[12] 研 究表明,cMLCK 是心肌特异性肌球蛋白轻链激酶, 在心肌细胞收缩中起关键作用,cMLCK 缺失可导致 成年小鼠急性心力衰竭伴心肌细胞萎缩。TSUKA-MOTO 等[13]提出, cMLCK 对心脏应激具有保护作 用。本研究发现,在受到 DOX 的持续作用后, cMLCK mRNA和蛋白表达水平均明显下降,在与不 同浓度 NRG-1 共同作用后,cMLCK mRNA和蛋白表 达水平升高,甚至达到正常水平之上,同时细胞生长 得到改善。NCX-1 是可兴奋细胞膜上一种重要的双 向离子转运蛋白,其主要功能是排出细胞兴奋过程 中进入细胞内的 Ca2+,使细胞内 Ca2+恢复到静息状 态水平。在每排出1个Ca2+的同时,转入细胞内3 个 Na+,因此有一个净电荷的跨膜移动,产生跨膜电 流[14]。NCX-1 表达的变化特别是异常升高可能引 起细胞膜损伤,进而导致膜电位异常,膜通透性改 变,使大量 Na+进入细胞,此时 Na+-Ca2+逆向交换 被激活,引起细胞内 Ca2+ 超载,从而加重细胞损伤 和死亡。本研究结果显示, DOX 可以导致大鼠心肌 细胞中 NCX-1 mRNA 和蛋白表达水平升高, 但在不 同浓度 NRG-1 的共同作用下,这种升高作用受到很 大程度的抑制。

综上所述,NRG-1 能够对 DOX 引起的大鼠心肌细胞毒性产生一定的保护作用,其机制可能与 cML-CK 表达上调、NCX-1 表达下调有关。但本研究仅对 cMLCK、NCX-1 等部分因素进行了初步研究,NRG-1 改善 DOX 心肌细胞毒性作用的具体机制仍有待进一步探究。

参考文献.

- [1] JAIN A, RANI V. Mode of treatment governs curcumin response on doxorubicin-induced toxicity in cardiomyoblasts [J]. Mol Cell Biochem, 2018, 442 (1/2);81-96.
- [2] MOHAMED E A, KASSEM H H. Protective effect of nebivolol on doxorubicin-induced cardiotoxicity in rats[J]. Arch Med Sci, 2018, 14(6):1450-1458.
- [3] BHATT L, JOSHI V. Mangifera indica L. leaf extract alleviates doxorubicin induced cardiac stress [J]. J Intercult Ethnopharmacol, 2017, 6(3):284-289.
- [4] XU M, WU X S, JIE B Z, et al. Neuregulin-1 protects myocardial cells against H₂O₂-induced apoptosis by regulating endoplasmic reticulum stress[J]. Cell Biochem Funct, 2014, 32(5):464-469.
- [5] 周芹,王龙,王晞,等. 神经调节蛋白-1 对脓毒症大鼠心脏功能 及炎性介质的影响[J]. 中华危重病急救医学,2018,30(2): 140-144.
- [6] 罗明雄,陈小丹,魏玲.神经调节蛋白1对高糖损伤的心肌细胞的保护作用及其机制[J].中国循环杂志,2016,31(9):902-907.
- [7] ASENSIO-LÓPEZ M C, SOLER F, PASCUAL-FIGAL D, et al. Doxorubicin-induced oxidative stress; the protective effect of nicorandil on HL-1 cardiomyocytes [J]. PLoS One, 2017, 12 (2): e0172803.
- [8] ZILINYI R, CZOMPA A, CZEGLEDI A, et al. The Cardioprotective effect of metformin in doxorubicin-induced cardiotoxicity: the role of autophagy[J]. Molecules, 2018, 23(5):1184.
- [9] GAO R L, ZHANG J, CHENG L Q, et al. A phase II, randomized, double-blind, multicente, based on standard therapy, placebo-controlled study of the efficacy and safety of recombinant human neuregulin-1 in patients with chronic heart failure [J]. J Am Coll Cardiol, 2010, 55 (18): 1907-1914.
- [10] HAO J J, GALINDO C L, TRAN T L, et al. Neuregulin-1β induces embryonic stem cell cardiomyogenesis via ErbB3/ErbB2 receptors [J]. Biochem J, 2014, 458(2):335-341.
- [11] ENNEQUIN G, CAPEL F, CAILLAUD K, et al. Neuregulin 1 improves complex 2-mediated mitochondrial respiration in skeletal muscle of healthy and diabetic mice[J]. Sci Rep, 2017, 7(1):1742.
- [12] MASSENGILL M T, ASHRAF H M, CHOWDHURY R R, et al. Acute heart failure with cardiomyocyte atrophy induced in adult mice by ablation of cardiac myosin light chain kinase[J]. Cardiovasc Res., 2016, 111(1):34-43.
- [13] TSUKAMOTO O, KITAKAZE M. Biochemical and physiological regulation of cardiac myocyte contraction by cardiac-specific myosin light chain kinase [J]. Circ J, 2013, 77 (9):2218-2225.
- [14] MORA M T, FERRERO J M, ROMERO L, et al. Sensitivity analysis revealing the effect of modulating ionic mechanisms on calcium dynamics in simulated human heart failure [J]. PLoS One, 2017,12(11):e0187739.

(本文编辑:杨 博)