本文引用: 苑杰, 姜伟时, 刘颖, 等. 血管性抑郁的生物学机制研究进展[J]. 新乡医学院学报, 2019, 36(12): 1197-1120. DOI: 10.7683/xxyxyxb. 2019. 12.023.

【综述】

血管性抑郁的生物学机制研究进展

苑 杰1,2,姜伟时1,刘 颖1,廖嘉雯1,史晓妹1,王 静3

(1. 华北理工大学心理学院,河北 唐山 063000; 2. 华北理工大学精神卫生研究所,河北 唐山 063000; 3. 唐山职业技术学院,河北 唐山 063000)

摘要: 血管性抑郁(VD)是指具有血管性疾病或血管危险因素的患者发生的严重抑郁障碍,是心脑血管疾病的一种严重并发症。VD严重影响患者的工作、学习、社交等社会功能,导致生活质量下降,给家庭和社会造成极大负担,阐明其发生的生物学机制并进行有效预防成为学术界的研究热点。但 VD 的生物学机制复杂,目前尚未完全清楚。本文从下丘脑-垂体-肾上腺轴(HPA)、脑结构、炎性细胞因子、基因多态性 4 个方面对 VD 的生物学机制研究进展进行综述,旨在为 VD 的诊断与预防提供参考。

关键词: 血管性抑郁;生物学机制;研究进展

中图分类号: R749.1+3 文献标志码: A 文章编号: 1004-7239(2019)12-1197-04

血管性抑郁(vascular depression, VD)是指具有血管性疾病或血管危险因素的患者在12个月内发生的严重抑郁障碍,是老年期抑郁的一种亚型。一般将 VD 分为3类:(1)卒中后抑郁(post stroke depression, PSD),即卒中导致的抑郁;(2)无卒中病史,核磁共振成像显示脑实质信号无异常,但具有血管疾病或血管危险因素如冠状动脉动脉粥样硬化性心脏病(coronary atherosclerotic heart disease, CHD)导致的抑郁;(3)临床无卒中表现,但核磁共振成像显示脑部白质高信号或无症状梗死的抑郁症^[1]。VD可导致患者社会功能受损,表现为迟滞突出、病情波动大、认知功能障碍,其中认知功能障碍包括执行能力受损、注意力不集中以及较差的即时记忆力,由此引起决策困难和工作困难,给家庭经济带来了严重的危害^[2]。

近年来,随着生活水平的提高和生活方式的改变,高血压、糖尿病、高脂血症患者群体迅速扩大, VD 的发病率随之增加,了解 VD 的生物学机制并采取有效的干预措施有助于降低 VD 发病率,避免 VD 引起的躯体功能障碍。本文从下丘脑-垂体-肾上腺轴(hypothalamus-pituitary-adrenal axis, HPA)、脑结构、炎性细胞因子、基因多态性等方面就目前关于该病生物学机制的研究进展进行综述,旨在为 VD 的诊断与预防提供参考,以降低 VD 发病率,避免其不良预后引起的社会功能障碍。

DOI:10.7683/xxyxyxb.2019.12.023

收稿日期:2018-07-13

作者简介:苑 杰(1968 -),男,河北唐山人,博士,教授,硕士研究 生导师,研究方向:抑郁症的发病及影响因素、脑与认知功能。

连号师, 研究分间: 钟即症的及柄及影响因素、脑马成和功能。 通信作者:王 静(1967 -),女,河北唐山人,学士,教授,研究方向: 心身医学; E-mail: mdwangjing@ 126. com。

1 HPA 调节能力异常引起的 VD

在生理条件下, HPA 由富含糖皮质激素受体 (glucocorticoid receptor, GR)的海马进行负反馈调 节,HPA 的正常分泌对人的情绪调节、压力适应等 功能具有重要作用[3]。HPA 调节能力的减弱与 VD 密切相关,LEE[4] 通过永久性阻断大鼠双侧颈总动 脉建立慢性脑低灌注模型,并采用蔗糖偏好、强迫游 泳测试来测量抑郁行为,观察血浆促肾上腺皮质激 素皮质酮及糖皮质激素受体的表达,结果提示,HPA 轴活动增强及海马糖皮质激素受体信号通路紊乱与 VD 样行为相关,分析其原因可能为:(1)血管疾病 作为应激源,造成海马 CA1 区大量凋亡神经元出 现,刺激 HPA 轴功能亢进,增加糖皮质激素抵抗,影 响 5-羟色胺(5-hydroxytryptamine,5-HT)能神经元与 去甲肾上腺素(norepinephrine,NE)能神经元及其通 路,使此2种神经递质减少,从而产生抑郁样行 为^[5]。(2)下丘脑 5-HT1A 受体(5hydroxytryptamine 1A receptor, 5-HTR1A) 功能不足 和 5-HT 2C 受体(5-hydroxytryptamine 2C receptor,5-HTR2C)功能亢进同样可以激活 HPA 轴,而 VD 患 者往往有 5-HTR1A 功能不足和 5-HTR2C 功能亢 进,故 HPA 轴功能亢进^[6]。上述研究表明, HPA 轴 的调节能力减弱与血管性抑郁具有一定相关性,可 能是 VD 的机制之一。

2 脑结构异常引起的 VD

脑结构与 VD 关系密切,其中位于脑室周围及基底节区的脑白质高信号区与 VD 的发病及严重程度显著相关[7],分析其原因为缺血损伤了额叶-纹状

体-苍白球-丘脑-皮质下通路,导致情感控制功能失 调,从而发生抑郁。海马具有学习记忆以及情感控 制的功能,当海马神经元损伤而齿状回神经细胞新 生能力受限时,可以发生血管性抑郁。武莉娜等[8] 采用线栓法阻塞大鼠大脑中动脉制备卒中大鼠,并 给予孤养联合慢性不可预见性温和应激,建立 PSD 大鼠模型,发现 PSD 大鼠海马组织中 mRNA 相对表达 量及脑源性神经营养因子(brain derived neurotrophic factor, BDNF) 蛋白均低于卒中组, 因此认为海马组织与 PSD 的发生相关。分析其原因,可能为促肾上腺皮质 激素释放激素是抑郁发生的起始因子,而海马含有 大量的 GR, 是最易受应激影响而产生抑郁的敏感 区域,当心脑血管疾病作为应激源使 HPA 轴亢进 时,糖皮质激素(glucocorticoid,GC)水平过量升高使 海马受到攻击,细胞内谷氨酸水平上升产生中毒作 用,从而发生抑郁障碍,并伴有认知障碍、动机低下 等表现[9]。此外,血管性疾病作为应激源,不仅可 以通过过量 GC 损伤海马而产生抑郁表现,还可通 过 GC 影响下游的炎性细胞因子、BDNF、5-HT 水平 而导致抑郁发生[10]。

3 炎性细胞因子异常引起的 VD

炎症在动脉粥样硬化性疾病的发生、发展过程 中起关键作用,从脂纹现象到斑块形成乃至产生脑 卒中、CHD的阶段,都可以看做是炎症对血管的损 伤,炎症可能是血管性疾病患者发生抑郁的 基础[11]。VOGELZANGS等[12]研究发现, VD 患者 血清白细胞介素(interleukin, IL)-1β、肿瘤坏死因 子-α(tumor necrosis factor-α, TNF-α) 水平高于正常健 康人群,并且 IL-1β、TNF-α 水平在服用抗抑郁药后恢 复正常。KHOJASTEH 等[13] 通过永久性切断大鼠双 侧颈总动脉建立大鼠脑低灌注模型,并给予慢性不可 预测刺激形成 VD 模型,发现 VD 组大鼠血清 IL-6 水 平高于对照组。NIKKHESLAT 等[14] 研究发现, CHD 伴抑郁患者的血清 C 反应蛋白(C-reactive protein, CRP)水平高于 CHD 非抑郁患者。炎性细胞因子在 缺血部位的浸润可引起微血管阻塞,还可以释放炎 性介质等细胞毒性物质,导致神经细胞水肿、血脑屏 障功能障碍,由此产生缺血性血管疾病,而可溶性细 胞间黏附分子-1(solubility intercellular adhesion molecule-1,sICAM-1)和可溶性血管细胞黏附分子-1 (solubility vascular cell adhesion molecule-1, sVCAM-1) 在这一过程中发挥了重要作用[15]。不仅如此,研究 认为,sICAM-1 和 sVCAM-1 与抑郁的发生、发展同 样密 切 相 关[16-17]。紧 密 连 接 蛋 白 5 (claudin-5, Cldn5) 是1种在内皮细胞与细胞接触处发现的紧密 连接蛋白,对维持脑微血管内皮细胞的完整性至关 重要[18]。研究发现, VD 患者的 Cldn5 在伏隔核中 表达减少,从而促使外周细胞因子 IL-6 通过血脑屏障浸润脑实质,产生抑郁的表现^[19]。由于致炎性细胞因子数量多、作用复杂,目前对不同炎性细胞因子与 VD 之间的关系并未完全阐明,但不可忽视是,上述炎性细胞因子在 VD 的发生、发展中起重要作用。

根据细胞因子在炎症中的作用,可将其分为致 炎性细胞因子和抗炎性细胞因子,二者相互抑制,维 持机体的稳态。目前研究认为,抗炎性细胞因子与 VD 也是密不可分的^[20]。脂联素 (adiponectin, ADPN)是外周血中含量最高的脂肪因子,血浆浓度 为5~30 mg·L⁻¹,通过与其受体结合激活腺苷酸 活化蛋白激酶、p38 丝裂原活化蛋白激酶和过氧物 酶体增殖物激活受体等信号分子发挥抗炎作用;当 ADPN 浓度下降时,其抗炎、抗动脉粥样硬化作用降 低,动脉粥样硬化进展加速,造成心脑血管疾病发 生[21]。牟英等[22]研究发现,CHD 伴抑郁组患者血 清 ADPN 浓度比非抑郁组显著减低,提示抑郁情绪 可能进一步降低 CHD 患者血清 ADPN 水平。ADPN 水平降低的原因可能为: VD 患者有血清 $TNF-\alpha$ 和 IL-6 水平升高,可以抑制脂肪细胞中 ADPN 的转 录^[23]。GOLIMBET等^[24]研究发现,CHD 伴抑郁组 患者的血清抗炎性细胞因子 IL-4 水平低于冠心病 非抑郁组。此外,另一项研究显示: VD 严重程度与 IL-4 水平呈负相关[25]。PAN 等[26] 对大鼠使用中枢 促炎细胞因子诱导剂脂多糖和 IL-10,结果发现,使 用脂多糖可引起大鼠抑郁样行为,包括体质量下降、 糖偏好降低以及运动能力下降,而 IL-10 可逆转上 述抑郁样行为。由此可见,抗炎性细胞因子在 VD 的发生、发展过程中起重要作用。

4 基因多态性异常引起的 VD

4.1 5-HT 基因多态性 研究发现,5-HT 系统基因 多态性与 VD 的发生相关[27]。陈爱敏[28] 对比研究了 109 例卒中患者和53 例 PSD 患者,发现 PSD 组患者 的 G 等位基因频率明显高于卒中组,提示 5-HTR1AC (-1019) G 基因可能是 PSD 的易感因素,携带 G 等位 基因可能增加 PSD 的易发生率,因此认为 5-HTR1A G基因多态性与 PSD 相关。5-HT 受体多而复杂,而 5-HT2A 受体 (5-hydroxytryptamine 2A receptor, 5-HTR2A)是一种抑制性受体,其激活可以降低神经元 兴奋性。陈翠^[29]纳入 97 例 PSD 患者和 72 例单纯 脑卒中患者,对 5-HTR2A T102C 基因多态性与 PSD 的关系进行了研究,结果发现,PSD组的C等位基 因频率低于单纯脑卒中组,提示5-HTR2AT102C基 因多态性可能与 PSD 相关,此基因可能是 PSD 的易 感基因, 而 C 等位基因可能是 PSD 的保护因子。 TANG 等^[30]在对 5-HTR2C 与 PSD 关系的临床试验 研究中,对233 例卒中患者进行抑郁量表评分,其中 61 例被诊断为 PSD,研究发现,5-HTR2C 基因与男性 PSD 患者相关;在控制混杂因素后,其rs12837651T等位基因和rs2192371G等位基因被发现与男性 PSD 患者相关,因此认为,5-HTR2C受体在遗传变异的过程中可能参与了男性 PSD 患者的发病。5-HT系统异常引起的抑郁症主要是通过5-HT转运体基因调控的,5-羟色胺转运体多态区(serotonin transporter linked polymorphic region,5-HTTL-PR)被认为与 PSD 的遗传风险相关^[31]。MAK等^[32]研究发现,5-HTTLPR(SS)中的短变异纯合子 S基因与 PSD 呈正相关,为 PSD 的危险因素;5-HTTLPR(LL)中的长变异纯合子 L基因与 PSD 呈负相关,为 PSD 的保护因素。由此可见,5-HT 基因多态性与 VD 的发生有一定关系。

4.2 载脂蛋白 E(apolipoprotein E, ApoE) 基因多 态性 目前,有关 ApoE 基因多态性与 VD 的关系吸 引了研究者的注意。研究发现, ApoE 基因多态性可 以影响 VD 的发生,其可能与 ApoE 以异构体依赖方 式影响 BDNF 和 5-HT2A 受体表达有关,其中 ApoE4 可使脑中 BDNF 表达降低,5-HT2A表达增加,可能 是 ApoE 介导的抑郁风险增加的部分原因[33-34]。从 结构上来说, ApoE 基因以 ε -2、 ε -3 和 ε -4 三种主要 异构体存在,研究发现,PSD 患者 ε4 基因频率显著 高于脑卒中患者, ε4/ε4 基因型预测老年 PSD 的敏 感度为83.33%, ApoE&4 基因水平的升高可以增加 患抑郁风险^[35]。另一项研究认为,ε2 基因是抑郁 发生的保护因子[36]。从基因型的角度来考虑,李雪 斌[37]的病例对照研究显示,携带 rs429358-C 等位基 因的 ApoE 基因型增加了 PSD 的风险,并增加了抑 郁的严重程度,其原因可能为:携带 rs429358-C 的 PSD 患者左侧颞叶局部脑血流量显著降低,促进了 PSD 的发生。因此,对 ApoEe4/e4 基因型的患者及 携带 ApoE rs429358 基因的患者应给予预防 VD 发 生的支持性治疗,降低 VD 的发病率。

4.3 其他基因多态性 VD 的发生不仅与 5-HT 基因有关,还可能与部分营养因子基因相关,其中BDNF的单核苷酸多态性与抑郁有关,还被认为是心脑血管疾病的危险因素^[38]。BDNF 在调节血管发育过程中起重要作用,并促进神经元的存活、分化和维持;当 BDNF 水平下降时,可使患者的定向力、计算力、瞬时记忆等认知功能紊乱^[39]。彭敏等^[40]研究发现,CHD 伴抑郁组 BDNF 基因 rs6265 位点上的AA 基因型分布频率高于 CHD 非抑郁组,提示BDNF rs6265 的 AA 基因型在 CHD 伴抑郁的易感性中发挥着重要作用。何明等^[41]研究认为,伴有 BDNF rs6265 位点等位基因 C 以及 rs10835210 位点等位基因 A 的缺血卒中患者易发 PSD。在脑脊液中,中低水平的血管内皮生长因子(vascular endothelial

growth factor, VEGF) 意味着缺乏对神经元的营养支持, VD 的抑郁程度与 VEGF 水平呈负相关^[42]。XIE 等^[43]研究发现, 单核苷酸多态性 VEGF rs4416670 位点与抑郁的风险增加直接相关。黄丽等^[44] 在探讨 PSD 与雌激素受体 β(estrogen receptorβ, ERβ) 基因多态性的相关性研究中, 对 PSD 患者及单纯脑卒中患者的 ERβ Rsa I 和 Alu I 位点基因型进行检测,发现 R 等位基因在 PSD 组的频率显著低于单纯卒中组,而其他基因型没有差异, 因此认为 R 等位基因可能与 PSD 的发病相关,而 ERβ Rsa I 和 Alu I 位点基因型与 PSD 的发病无相关性。

5 结语

VD 在老年人中具有较高的发病率,使患者的生活质量下降,给家庭以及社会造成极大的负担,是老龄化社会重要的医学和社会问题^[45]。目前研究认为,VD 的生物学机制具有一定的独特性,涉及心脑血管疾病及抑郁两个方面,其发病是在基因多态性的基础上,通过心脑血管疾病与抑郁情绪之间的相互影响以及 HPA 轴、脑结构、炎性细胞因子异常而起病,使患者的认知功能下降、智能受损、运动功能低下^[46]。目前对 VD 确切生物学机制的研究并不完善,各因素之间的相互关系有待进一步明确。对 VD 生物学机制的深入研究,既有益于为临床诊断提供思路,同时也提示临床医生在预防 VD 时不仅要关注其心脑血管因素,更不能忽视心理因素的影响。

参考文献:

- TAYLOR W D, SCHULTZ S K, PANAITE V, et al. Perspectives on the management of vascular depression [J]. Am J Psychiatry, 2018, 175 (12):1169-1175.
- [2] JOHNSON L A, LARGE S E, IZURIETA M H, et al. Vascular depression and cognition in Mexican Americans [J]. Dement Geriatr Cogn Disord, 2019, 47 (1/2):68-78.
- [3] 凌佳,吴梦瑶,杨琴,等.下丘脑-垂体-肾上腺轴紊乱对焦虑性 抑郁模型大鼠海马结构的影响[J].基础医学与临床,2018,38 (9):1231-1238.
- [4] LEE S R, CHOI B, PAUL S, et al. Depressive-like behaviors in a rat model of chronic cerebral hypoperfusion [J]. Transl Stroke Res, 2015,6(3);207-214.
- [5] JEON S W, KIM Y K. The role of neuroinflammation and neurovascular dysfunction in major depressive disorder [J]. J Inflamm Res, 2018, 11:179-192.
- [6] RAIC M. Depression and Heart Diseases: Leading Health Problems [J]. Psychiat Danub, 2017, 29 (Suppl 4):770-777.
- [7] PARK J H, JEON B H, LEE J S, et al. CADASIL as a Useful medical model and genetic form of vascular depression [J]. Am J Geriatr Psychiatry, 2017, 25 (7):719-727.
- [8] 武莉娜,许国栋,张雅安,等. 塞来昔布对卒中后抑郁大鼠学习记忆能力及海马组织中脑源性神经营养因子表达的影响[J]. 新乡医学院学报,2019,36(3):11-17.
- [9] 王伟. 氯胺酮通过海马糖皮质激素受体改善慢性应激易感小

鼠抑郁样行为[D].南京:南京医科大学,2018.

- [10] 刘茹. 糖皮质激素及其受体在慢性疼痛与抑郁共病中的作用 [J]. 医学研究生学报,2018,(9):981-985.
- [11] CHRYSOHOOU C, KOLLIA N, TOUSOULIS D. The link between depression and atherosclerosis through the pathways of inflammation and endothelium dysfunction [J]. Maturitas, 2018, 109:1-5.
- [12] VOGELZANGS N, BEEKMAN A T, VAN A K, et al. Inflammatory and metabolic dysregulation and the 2-year course of depressive disorders in antidepressant users [J]. Neuropsychopharmacol, 2014,39(7):1624-1634.
- [13] KHOJASTEH F, NAHAVANDI A, MEHRPOUYA S, et al. Cognitive impairment induced by permanent bil-ateral common carotid occlusion exacerbates depression-related behavioral, biochemical, immu-nological and neuronal markers [J]. Brain Res, 2015, 1596 (6):58-68.
- [14] NIKKHESLAT N, ZUNSZAIN P A, HOROWITZ M A, et al. Insufficient glucocorticoid signaling and elevated inflammation in coronary heart disease patients with comorbid depression [J]. Brain Behav Immun, 2015(8), 48:8-18.
- [15] 隋欣. 注射用丹参多酚酸对于脑梗死急性期患者血清可溶性 细胞间黏附分子-1、可溶性血管细胞黏附分子-1 表达的影响 [J]. 药物评价研究,2019,42(2);100-102.
- [16] 徐明月,宫鑫,邹勇. 高血压与抑郁相关性研究进展[J]. 中医临床研究,2017,9(10):134-137.
- [17] IVKOVIĆ M, PANTOVI S M, PETRONIJEVI N, et al. Predictive value of sICAM-1 and sVCAM-1 as biomarkers of affective temperaments in healthy young adults [J]. J Affect Disord, 2017, 207 (1):47-52.
- [18] GREENE C, HANLEY N, CAMPBELL M. Claudin-5: gatekeeper of neurological function [J]. Fluids Barriers CNS, 2019, 16(1):3.
- [19] MENARD C, PFAU M L, HODES G E, et al. Social stress induces neurovascular pathology promoting depression [J]. Nat Neurosci, 2017,20(12):1752-1760.
- [20] SU W J, CAO Z Y, JIANG C L. Inflammatory mechanism of depression and its new strategy for diagnosis and treatment [J]. Sheng Li Xue Bao, 2017, 69(5):715-722.
- [21] 徐功蒲,李暾,曾宪容. 脂联素水平对急性脑梗死患者预后的 影响[J]. 中国老年学杂志,2019,39(18):4405-4408.
- [22] 牟英,王敏,柴颖儒,等. 焦虑抑郁情绪对冠心病病人脂联素水平及血管内皮功能的影响[J]. 中西医结合心脑血管病杂志,2016,14(1):52-54.
- [23] FASSHAUER M, KRALISCH S, KLIER M, et al. Adiponectin gene expression and secretion is inhibited by interleukin-6 in 3T3-L1 adipocytes[J]. Biochem Biophys Res Communi, 2009, 301 (4):1045-1050.
- [24] GOLIMBET V E, VOLEL B A, KOROVAITSEVA G I, et al. Association of inflammatory genes with neuroticism, anxiety and depression in male patients with coronary heart disease [J]. Zh. Nevrol Psikhiatr Im S S Korsakova, 2017, 117(3):74-79.
- [25] WACHHOLZ S, KNORR A, MENGERT L, et al. Interleukin-4 is a participant in the regulation of depressive-like behavior [J]. Behav Brain Res, 2017, 326; 165-172.
- [26] PAN Y, LIN W J, WANG W W, et al. The effects of central proand anti-inflammatory immune challenges on depressive-like behavior induced by chronic forced swim stress in rats [J]. Behav Brain Res, 2013, 247:232-240.
- [27] 王芳,谈跃. 卒中后抑郁生物学标记物的研究进展[J]. 国际神经病学神经外科学杂志,2019,46(3);325-329.

- [28] 陈爱敏.5-羟色胺 1A 受体、G 蛋白 β3 亚基基因多态性与卒中后抑郁的相关性研究[D].广州:南方医科大学、2011.
- [29] 陈翠. 5-羟色胺 2A 受体 T102C 基因多态性与卒中后抑郁的 关联研究[D]. 广州:南方医科大学,2011.
- [30] TANG W K, TANG N, LIAO C D, et al. Serotonin receptor 2C gene polymorphism associated with post-stroke depression in Chinese patients [J]. Genet Mol Res, 2013, 12(2):1546-1553.
- [31] ZHAO Q, GUO Y, YANG D, et al. Serotonin transporter gene 5-HTTLPR polymorphism as a protect-ive factor against the progression of post-stroke depression [J]. Mol Neurobiol, 2016, 53 (3): 1699-1705.
- [32] MAK K K, KONG W Y, MAK Y, et al. Polymorphisms of the serotonin transporter gene and post-stroke depression; a meta-analysis [J]. J Neurol Neurosurg Psychiatry, 2013,84(3):322-8.
- [33] SCOTT R G, PAULSON D L. Independent effects of apolipoprotein E and cerebrovascular burden on later-life depression: the Wisconsin longitudinal study [J]. J Clin Psychiatry, 2017, 78 (7):891-896.
- [34] CHHIBBER A, ZHAO L Q. ERβand ApoE isoforms interact to regulate BDNF-5-HT signaling and synaptic function in the female brain [J]. Alzheimers Res Ther, 2017, 9(1):79.
- [35] 黄俊芳,黄建敏,蒙兰青,等. 载脂蛋白 E 基因多态性、同型半胱氨酸对老年卒中后抑郁的预测价值[J]. 河北医科大学学报,2018,39(11):1257-1261.
- [36] FENG F, LUSS, HUCY, et al. Association between apolipoprotein E gene polymorphism and depression [J]. J Clin Neurosci, 2015, 22(8):1232-1238.
- [37] 李雪斌. APOE 基因多态性与卒中后抑郁发病风险的关联性研究[D]. 广州: 暨南大学, 2017.
- [38] AMADIO P, COLOMBO G I, TARANTINO E, et al. BDNFVal66met polymorphism; a potential bridge between depression and thrombosis [J]. Eur Heart J, 2017, 38 (18):1426-1435.
- [39] 余青龙,任娟,周奇卿.血清 SAA、BDNF、ALP 水平与脑卒中后并发血管性认知功能障碍的关系[J].实用预防医学,2018,25(5):59-62.
- [40] 彭敏,蒲唯丹,禹顺英,等. BDNF 基因多态性与冠心病共病抑郁的关联及其血小板活性机制[J]. 中国临床心理学杂志,2018,26(2):230-233.
- [41] 何明,马飞月. 卒中后抑郁影响因素及其与脑源性神经营养因子基因多态性的关系研究[J]. 实用心脑肺血管病杂志,2019,27(5):29-35.
- [42] 李旭,曲辅政. 冠心病合并抑郁症患者血清中血管内皮生长 因子与抑郁症严重程度的关系[J]. 中国继续医学教育, 2016,8(5):26-27.
- [43] XIE T, STATHOPOULOU M G, ANDR S F, et al. VEGF-related polymorphisms identified by GWAS and risk for major depression [J]. Transl Psychiatry, 2017, 7(3); e1055.
- [44] 黄丽,李洵桦,钟智勇,等. 雌激素受体 β 基因多态性与卒中 后抑郁的相关性探讨[J]. 中国现代医学杂志,2013,23(1): 40-43.
- [45] HASHEM A H, NASRELDIN M, GOMAA M A, et al. Late versus early onset depression in elderly patients; vascular risk and cognitive impairment [J]. Curr Aging Sci, 2017, 10(3):211-216.
- [46] LUGTENBURG A, OUDE R C, VAN Z W, et al. The relationship between depression and executive function and the impact of vascular disease burden in younger and older adults [J]. Age Ageing, 2017,46(4):697-701.

(本文编辑:李胜利)